Protocolo para búsqueda y registro de datos

Monday, June 4, 2018

1:10 PM

Realizar setup con Git y github (sólo la primera vez que se abre Git):

Set up de cuenta y nombre de usuario

Abrir Git Bash:

$ git config --global user.name "Your name here"

$ git config --global user.email "your\_email@example.com"

(Si tienen problemas con Git consultar: <http://kbroman.org/github_tutorial/pages/first_time.html> o

<https://www.ntu.edu.sg/home/ehchua/programming/howto/Git_HowTo.html> )

1. Abrir Git Bash:

$ cd "/c/Users/cris.carmona/Documents/MEGAsync/Projects/Post-doc/Riesgo de extinción y selección sexual/extinction\_data"

$ git clone <https://github.com/cristinacarmona/extinction_data.git> #Sólo la primera vez que se trabaje, después usar:

$ git pull master

$ git branch Reptiles #Sólo la primera vez cuando se crea la rama

$ git checkout Reptiles #para cambiar a la rama y trabajar en esa rama

$ git status #muestra archivos para controlar o no controlar

$ git add . #agrega todos los archivos a control

……….trabajar (dejar abierto Git bash)

1. Abrir archivo "Fill database.R" en Rstudio
2. Elegir Clase con la que se va a trabajar, y comenzar con aquellas especies que tienen datos para peso (mamíferos y aves) o tamaño corporal (reptiles, anfibios y peces) tanto para machos como para hembras

1. Elegir especie y buscar en google scholar con el siguiente patrón de búsqueda:

("scientific name" OR "common name") AND

* ("ASR" OR "sex ratio")
* ("mating system" OR "polygamy" OR "monogamy" OR "polygamous" OR "monogamous" OR “polygyny” OR “polyandry”)
* ("dimorphism" OR "ornament")
* ("sexual size dimorphism" OR "body size" OR "body mass" OR "svl" OR "weight" OR "svl") #Esto no se usará hasta la segunda ronda de búsquedas

1. Ir paper por paper buscando la información deseada

1. Al encontrar un paper con info relevante inmediatamente guardar cita en Endnote o Mendeley y revisar que la cita esté en formato adecuado (títulos y nombres sin todas mayúsculas, nombres científicos en cursivas).

1. Registrar datos en base de datos directamente en el archivo de excel "merged\_iucn\_and\_db\_v3.xlsx". Usando los filtros buscar la especie requerida para que sea la única fila que se muestra y no pueda haber errores en el registro de los datos.

IMPORTANTE: revisar criterio para uso de datos y unidades de medición.

1. Al registrar un dato registrar también la referencia en formato (Autor1 & Autor2, año) o (Autor1 et al., año) en el campo debido

1. Registrar comentarios en caso de haber algo relevante

1. Si no se encontró información relevante para la especie anotar en comentarios: "no data available (CCI 01/06/2018)" Cambiando CCI por sus iniciales y la fecha en que lo buscaron.

1. Al finalizar el día de trabajo o algún avance importante:

Guardar trabajo en el archivo de Rstudio y en el excel, cerrar los programas.

1. Regresar a Git Bash:

$ git status #para ver qué archivos han cambiado

$ git diff #Si se quiere ver qué cambió en los archivos (para salir presionar q)

$ git commit -m "mensaje que diga qué se trabajó"

$ git config http.postBuffer 524288000 #esto es para incrementar la memoria que usa git y que no se trabe al hacer los siguientes comandos, sólo se tiene que hacer la primera vez.

$ git push #si la branch ya existía

$ git push origin Reptiles #si la branch se creó en esa sesión